

Fachbereich Mathematik und Informatik

A U S H A N G

E I N L A D U N G

zum Habilitationsvortrag

Im Rahmen seines Habilitationsverfahrens wird

Herr Dr. Bernhard Y. Renard

**am Donnerstag, d. 30. Januar 2014 um 10 Uhr s.t.
im Institut für Informatik, Seminarraum SR 053,
Takustraße 9, 14195 Berlin**

einen Vortrag über das Thema:

Quasi Species Reconstruction from Sequencing Data

halten.

Der Vortrag wird ca. 45 Minuten dauern (Zusammenfassung s.u.).

Die Universitätsöffentlichkeit ist dazu herzlich eingeladen.

gez. Prof. Dr. R. Klein

Dekan des FB Mathematik und Informatik

Abstract:

Understanding the structure of viral populations is crucial for disease control strategies. Sequencing data with sufficient coverage can be used to analyze these populations and to identify also low frequency variants. Difficulties arise since sequencing errors need to be identified such that they are not confounded with true biological variation. Then statistical modeling based on a variant of the expectation maximization algorithm can be applied to quantify a minimal set of previously identified haplotypes.